

ПРЕДИКТОР («PREDICTOR») – КОМПЬЮТЕРНАЯ ПРОГРАММА ДЛЯ ПРЕДСКАЗАНИЯ α -СПИРАЛЬНЫХ И β -СТРУКТУРНЫХ УЧАСТКОВ В ПЕРВИЧНОЙ СТРУКТУРЕ БЕЛКОВ

Авторы: В.А. Карасев, А.И. Беляев, В.В. Лучинин

Организация: Санкт-Петербургский государственный электротехнический университет им. В.И.Ульянова (Ленина) «ЛЭТИ»

Компьютерная программа ПРЕДИКТОР («PREDICTOR») предназначена для поиска и обнаружения α -спиральных и β -структурных участков в первичной структуре белков и может быть использована при проведении научных исследований в области медицины, фармакологии, молекулярной биологии и биохимии, где требуется знание вторичной структуры белков. Работа программы основана на сопоставлении пента-фрагментов, выделяемых в исследуемом белке, с базой данных пента-фрагментов белков, содержащей информацию о структуре водородных связей пента-фрагментов во вторичной структуре белков и последовательности аминокислот во фрагментах. Язык программы – «С». Размер exe-файла – 100 кб. Результат работы программы – выдача текстового файла со списком аминокислот и информацией о расположении α -спиральных и β -структурных участков в первичной структуре исследованного белка.